

مقایسه ۲۶ ژنوتیپ علف باع (*Dactylis glomerata*) از نظر کیفیت علوفه در استان زنجان به منظور تولید واریته‌های مصنوعی

پرویز مرادی^۱ و علی اشرف جعفری^۲

۱- زنجان، کیلومتر ۲۸ جاده تهران، مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی استان زنجان
۲- تهران، مؤسسه تحقیقات جنگلها و مراتع، گروه بانک ژن منابع طبیعی ایران
E-mail:parvizmoradi@yahoo.com

چکیده

علف باع (*Dactylis glomerata*) یکی از گرامینه‌های مهم مرتضی ساله برای ایجاد چراگاه و تولید علوفه خشک است. به منظور بررسی تنوع کمی و کیفی ۲۶ ژنوتیپ از *D. glomerata* آزمایشی در قالب بلوک‌های کامل تصادفی نامتعادل با سه تکرار در مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی استان زنجان در سالهای ۱۳۸۳-۸۴ اجرا شد. در چین تابستانه، عملکرد علوفه، ارتفاع بوته، تاریخ ظهور خوش، نسبت برگ به ساقه، درصد قابلیت هضم، میزان پروتئین خام، قندهای محلول در آب، فیبر خام، دیواره سلولی، دیواره بدون همی سلولز و خاکستر کل موجود در علوفه اندازه‌گیری شد. ضرایب همبستگی محاسبه شده نشان دهنده همبستگی مثبت و معنی‌داری بین صفت نسبت برگ به ساقه با عملکرد و بین صفات قندهای محلول در آب و پروتئین خام با کیفیت علوفه بودند. ژنوتیپ‌های مورد مطالعه از نظر تمام صفات به جز فیبرخام، دیواره سلولی بدون همی سلولز و خاکستر کل دارای اختلاف معنی‌داری بودند. از روی ضریب تغییرات نیز می‌توان نتیجه گرفت که از بین صفات، تعداد ساقه دارای بیشترین تنوع و صفت دیواره سلولی دارای کمترین پراکنش بود. بر اساس نتایج مقایسه میانگین صفات به روش دانکن ژنوتیپ‌های ۱۹، ۲۱، ۲۲، ۲۳، ۲۴ و ۳۴ دارای بیشترین عملکرد بودند. از نظر تاریخ ظهور خوش، ژنوتیپ‌های ۳-۲۵ و ۳۲-۳۶ جزو گروه خیلی زودرس و ژنوتیپ‌های ۱، ۲، ۶، ۱۷، ۲۱، ۲۷، ۲۸ و ۳۰ در گروه خیلی دیررس قرار گرفتند. از نظر قابلیت هضم نیز ژنوتیپ‌ها در چهار گروه قرار گرفتند. که ژنوتیپ ۲۱ با ۶۷/۱۹ درصد بیشترین میزان قابلیت هضم را داشت. همچنین از نظر پروتئین خام ژنوتیپ‌ها به چهار گروه دسته بندی شدند، که ژنوتیپ ۳۲ با میزان ۲۲/۶۸ درصد دارای بیشترین میزان پروتئین بود. به طور کلی می‌توان چنین نتیجه‌گیری نمود که با کاشت ژنوتیپ‌های ۱، ۲۱، ۲۴، ۳۲، ۳۳، ۳۴ و ۳۶ در کنار یکدیگر می‌توان به تولید بذر مصنوعی حاصل از گردهافشانی آزاد آنها اقدام نمود.

واژه‌های کلیدی: کیفیت علوفه، بذر مصنوعی، عملکرد علوفه و *Dactylis glomerata*

در قرن اخیر به اهمیت اقتصادی و زراعی علف باع پی

برده شده است و امروزه کشت و زرع این گیاه به عنوان علوفه خالص، چراگاه‌های طبیعی و مخلوط با سایر گرامینه‌های مرتضی در برنامه‌های احیای مراتع قرار گرفته است. علف باع به صورت علوفه نیز برداشت می‌شود. بعد از چرا یا برداشت به سرعت رشد می‌کند و عملکرد خوبی در سالهای دوم و سوم دارد. این گیاه همچنین مقاومت خوبی به سایه دارد. گیاهی خوشخوارک است و ارزش غذایی بالایی دارد. میزان ماده خشک قابل هضم و

مقدمه

علف باع (*Dactylis glomerata*) یکی از گرامینه‌های مهم مرتضی ساله مناسب مناطق سردسیری است که در مناطق معتدل جهان و در سطح وسیعی از مراتع کشور شامل استانهای شمالی و سلسله جبال البرز و زاگرس می‌روید (میبن، ۱۳۵۹). این گیاه در اروپا، آسیا، اطراف مدیترانه، شمال و جنوب آمریکا، ژاپن، نیوزلند و استرالیا به طور معمول در طبیعت می‌روید & (Treharne & Eagles, 1972).

سال ۱۳۸۴-۱۳۸۳ در مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی استان زنجان انجام شد. ژنوتیپ‌های مورد استفاده از سوی بانک ژن منابع طبیعی در اختیار این تحقیق گذاشته شد. پس از عملیات آماده سازی زمین، بذرهای نمونه‌ها در مهر ماه سال ۱۳۸۳ کشت شدند و مزرعه بلاضافله آبیاری شد. کرتاهای آزمایشی شامل چهار خط ۲ متری به فاصله خطوط ۳۰ سانتیمتر از یکدیگر بوده و در میان تکرارها نیز یک فاصله ۲ متری جهت تردد در نظر گرفته شد (Reed, 1996). در طول انجام آزمایش، مراقبت‌های زراعی از قبیل وجین علفهای هرز و آبیاری منظم هر ۷ روز یکبار انجام گردید. برنامه کوددهی نیز بر اساس آزمایش‌های خاک و توصیه‌های علمی انجام گردید. تا زمان عملیات برداشت، صفات تاریخ ظهور خوشة، ارتفاع، نسبت برگ به ساقه، تعداد ساقه‌های گل دهنده یادداشت برداری شدند. عملیات برداشت زمانی صورت گرفت که ۱۰ درصد از بوتهای هر کرت به گل نشسته بودند. عملکرد علوفه تر در هر کرت پس از حذف اثرات حاشیه‌ای، در سطح ۰/۵ متر مربع برداشت شد. علوفه برداشت شده بلاضافله توزین و مجموع دو چین، مبنای عملکرد علوفه تر تعیین شد. جهت تعیین صفات کیفیت، مقدار ۰/۵ کیلوگرم علوفه خشک از هر کرت انتخاب و پس از آسیا نمودن، مقدار ۱۰۰ گرم آن در محفظه دستگاه NIR اینفرماتیک که از قبل برای تعیین صفات کیفی علوفه *D. glomerata* کالیبره شده بودند ریخته، صفات درصد قابلیت هضم، میزان پروتئین خام، قندهای محلول در آب، فیبر خام، دیواره سلولی، دیواره بدون همی‌سلولز و خاکستر کل موجود در علوفه اندازه‌گیری شد آماری از نرم افزار SAS و SPSS استفاده شد، جهت بررسی رابطه بین صفات مورد مطالعه، ضرایب همبستگی فنوتیپی بین صفات محاسبه گردید. پس از تجزیه واریانس داده‌های جمع‌آوری شده، مقایسه میانگین صفات با روش دانکن صورت گرفت.

درصد پروتئین آن در مرحله گلدهی به ترتیب ۸/۲ و ۶۱/۳ می‌باشد (Christie & McElory, 1995). نیل به حداقل پیشرفت در اصلاح گیاهان علوفه‌ای دگرگشن، تنها از طریق ترکیب ژنوتیپ‌های با قدرت ترکیب پذیری بالا در یک واریته مصنوعی و یا یک واریته هیبرید مقدور است (Tysdal et al., 1948). برای بسیاری از گونه‌های علوفه‌ای، ضعف حاصل از خویش آمیزی به قدری شدید است که اجازه تشکیل لاین‌های اینبرد را نمی‌دهد، ولی از طریق تکثیر کلنی والدین می‌توانند به راحتی حفظ و تکثیر شوند. ارقام مصنوعی (Synthetic varieties) برای بسیاری از گراسهای علوفه‌ای و گونه‌های بقولات در سراسر دنیا مورد استفاده قرار می‌گیرد (زینالی و همکاران، ۱۳۸۳). استفاده از واریته‌های مصنوعی نسبت به روش هیبرید افزایش داشته است که از مزایای آن می‌توان به موارد زیر اشاره کرد: عدم امکان استفاده از روش هیبرید در گیاهانی که کنترل گردهافشانی مشکل است، عملکرد بهتر واریته‌های مصنوعی در شرایط محیطی مختلف، هزینه پایین تولید بذر ستنتیک، و بالاخره اینکه واریته‌های مصنوعی به عنوان مخزن غنی ژنتیکی هستند (Singh, 1990). یکی از مراحل مهم تولید واریته‌های مصنوعی شناسایی کلن‌های برتر می‌باشد که این امر بر اساس فنوتیپ و یا ژنوتیپ صورت می‌گیرد. انتخاب فنوتیپی می‌تواند بر اساس تک بوته یا ارزیابی کلنی باشد که ارزیابی کلنی از طریق آزمایش تکراردار افراد صورت می‌گیرد (زینالی و همکاران، ۱۳۸۳). هدف از این مطالعه، انتخاب ژنوتیپ‌های برتر از لحاظ عملکرد و کیفیت علوفه براساس ارزیابی کلونی در شرایط استان زنجان برای تولید بذر مصنوعی در منطقه می‌باشد.

مواد و روشها

در این بررسی ۲۶ ژنوتیپ مورد استفاده قرار گرفت که شامل ارقام تجاری و اکوتیپ‌هایی از ایران و سایر کشورها بودند. طرح مورد استفاده در این آزمایش، بلوکهای کامل تصادفی نامتعادل با سه تکرار بود که در

سلولی بدون همی‌سلولز و خاکستر کل دارای اختلاف

معنی‌داری بودند.

نتایج

الف- تجزیه واریانس: براساس جدول ۱، ژنوتیپ‌های

مورد مطالعه از نظر تمام صفات به جز فیبرخام، دیواره

جدول ۱- خلاصه تجزیه واریانس در ۲۶ ژنوتیپ *D. glumerata* در سال ۸۴

در قالب طرح بلوکهای کامل تصادفی

میانگین مربعات

ضریب تغییرات (CV)	اشتباه	ژنوتیپ	تکرار	منابع تغییرات		نام صفات
				تاریخ ظهور خوش (روز)	تعداد ساقه‌های بارور	
۵/۱۹	۹/۰۷	۷۸/۲۲ **	۲۶/۶۲ ns			ارتفاع بوته (سانتیمتر)
۳۴/۷	۲۳/۰۶	۱۳۹/۲ **	۱۱۱/۷ *			عملکرد علوفه تر (گرم)
۱۱/۵	۷۷/۴۵	۱۳۰/۱۴ **	۳۴۴/۳۴ *			نسبت برگ به ساقه
۱۶/۹۶	۱۲۱۲۸۶۷۰	۳۹۷۱۴۰۰۸ **	۳۸۴۳۴۲۲۱ *			قابلیت هضم
۱۷/۲۲	۰/۰۷۷	۰/۲۲۴ **	۰/۱۱۴ ns			کربوهیدراتهای محلول در آب
۶/۵	۱۵/۶۶	۲۶/۲۲ **	۴/۷ ns			پروتئین خام
۲۵/۵	۴/۰۳	۵/۷۱	۵/۹۶ ns			فیبرخام
۱۲/۴	۲/۴۸	۱۱/۶ **	۰/۹۲ ns			دیواره سلولی بدون همی‌سلولز
۱۲/۸	۱۳/۶۹	۹/۰۳ ns	۲/۷ ns			دیواره سلولی
۱۱/۷۱	۱۷/۶۷	۱۰/۶۱ ns	۹/۷۲ ns			خاکستر کل
۵/۰۲	۱۵/۷۳	۲۹/۹۶ *	۴۸/۳۵ ns			
۷/۴۳	۰/۶۹	۰/۵۰۱ ns	۲/۱۵ ns			

* و **: به ترتیب اختلاف معنی‌دار در سطح ۵٪ و ۱٪، ns: عدم اختلاف معنی‌دار

ب- مقایسه میانگین: جهت مشخص نمودن بهترین ارقام و توده‌ها، میانگین صفات در ژنوتیپ‌ها مورد مقایسه قرار گرفته و نتایج آن در جدول ۲ آمده است.

جدول ۲- نتایج دسته بندی میانگینها بر اساس صفات مورد مطالعه در سال ۸۴ به روش دانکن

کد رقم	منشا	عملکرد علوفه	تاریخ ظهور خوش	قابلیت هضم	پروتئین	پروتئین
۱	بانه	۲۲۶۸۴۵	a	abcd	۹۲/۳	abcd
۲	بانک ژن	۲۴۱۴۱	a	d	۵۷/۷	abcd
۳	ایرلند	۱۷۶۰۷	cd	d	۹۳/۱	abcd
۵	گناباد	۱۶۵۸۵	bcd	d	۵۹/۴	d
۶	اصفهان	۱۶۰۸	abcd	d	۵۷	d
۷	اصفهان	۲۵۰۱۰	d	d	۵۵/۹	d
۸	سمیرم	۱۲۶۳۲	d	abcd	۶۴/۶	abcd
۱۰	بروجن	۱۵۷۰۵	d	abcd	۶۳	ab
۱۱	بروجن	۱۸۴۴۶	d	dc	۶۰/۳	abcd
۱۳	تونکش	۲۴۴۸۴	d	d	۵۸/۳	d
۱۴	کامیاران	۲۲۱۹۷	abcd	d	۴۶/۲	d
۱۵	تونکش	۱۸۳۵۶	dc	d	۵۹/۱	d
۱۶	یختیاری	۱۸۰۷۰	d	d	۵۹/۸	abc
۱۷	ایرلند	۲۳۲۲۴۳	abcd	abcd	۹۴/۳	abcd
۱۹	روسیه	۲۵۹۶۳	d	dc	۵۹/۶	bcd
۲۱	کالیفرنیا	۲۰۷۷۳	abcd	a	۹۷/۲	abcd
۲۴	بلژیک	۲۰۰۲۶	abcd	abc	۹۵/۴	abc
۲۵	اسراییل	۲۴۴۱۱	abcd	d	۶۰	bcd
۲۷	آمریکا	۲۱۲۰۹	abcd	d	۵۸/۱	bcd
۲۸	استرالیا	۲۰۶۵۹	abcd	d	۵۷	bcd
۳۰	استرالیا	۱۸۳۰۹	d	dc	۶۰/۴	bcd
۳۲	بانک ژن	۲۰۲۸۴	abcd	abcd	۶۲/۱	a
۳۳	هلند	۲۰۴۳۸	abcd	bcd	۶۱	abcd
۳۴	FAO	۲۵۵۶۵	d	d	۵۹	dc
۳۵	ایرلند	۱۷۴۲۱	ab	d	۶۰/۶	abcd
۳۶	هلند	۱۹۱۴۰	bcd	d	۶۶/۶	bcd

میانگین تیمارهایی که دارای حروف مشابهی هستند از لحاظ آماری اختلاف معنی‌دارند.

پروتئین خام و قندهای محلول در آب رابطه مثبت معنی داری داشت. بین فیبر خام و ADF با قابلیت هضم رابطه منفی معنی داری مشاهده گردید.

ج- همبستگی صفات: همان گونه که در جدول ۳ ملاحظه می گردد، عملکرد علوفه با نسبت برگ به ساقه رابطه مثبت و بسیار معنی دار و قابلیت هضم با میزان

جدول ۳- ضرایب همبستگی فنوتیپی میان ۱۳ صفت اندازه گیری شده در گونه *D. glomerata*

خاکستر کل	دیواره سلولی	دیواره سلولی همی سلولز	دیواره سلولی	دیواره سلولی	کربوهیدراتهای بدن	پروتئین خام	فیبر خام	قابلیت هضم محلول در آب	عملکرد	نسبت برگ به ساقه	ارتفاع بوته	تعداد ساقه های بارور	تاریخ ظهور	تاریخ خوش
۱										۱	-۰/۰۰۱	-۰/۰۰۱	تعداد ساقه های بارور	تاریخ ظهور خوش
										۱	۰/۳۲۸	-۰/۱۸۹	ارتفاع بوته	
										۱	-۰/۰۲۰	-۰/۰۵	۰/۲۲۶	نسبت برگ به ساقه
										۱	۰/۴۲۲*	-۰/۰۰۴	۰/۱۰۹	۰/۳۱۱
														عملکرد علوفه تر
														قابلیت هضم
														کربوهیدراتهای محلول در آب
														آب
														پروتئین خام
														فیبر خام
														دیواره سلولی بدون همی سلولز
														دیواره سلولی
														خاکستر کل

* و **: به ترتیب اختلاف معنی دار در سطح٪ ۵ و ٪ ۱

خیلی دیررس قرار گرفتند. از صفات مهم کیفیت قابلیت هضم می باشد که روش دانکن ژنوتیپها را به چهار گروه دسته بندی کرد که ژنوتیپ ۲۱ با ۶۷/۱۹ درصد بیشترین میزان قابلیت هضم را داشت. علاوه بر این، ژنوتیپ های ۱، ۳، ۸، ۱۰، ۱۷، ۲۴، ۳۲ و ۳۶ نیز در گروه اول قرار داشتند. با توجه به همبستگی های بالای مثبت این صفت با میزان پروتئین و همبستگی منفی با فیبر خام و ADF می توان اظهار داشت که ژنوتیپ های فوق دارای میزان پروتئین بالا بوده و همچنین فیبر خام و دیواره سلولی بدون همی سلولز کمتری خواهند داشت.

از نظر پروتئین خام نیز ژنوتیپها به چهار گروه دسته بندی شدند که ژنوتیپ ۳۲ با میزان ۲۲/۶۸ درصد دارای بیشترین میزان پروتئین بود.

در مورد رابطه مثبت و بسیار معنی دار عملکرد علوفه با نسبت برگ به ساقه، این نتیجه منطقی به نظر می رسد،

بحث

در مورد تجزیه واریانس، تنوع قابل ملاحظه ای مشاهده گردید که با توجه به منشا متفاوت ژنوتیپ ها این تنوع مورد انتظار بود. این تفاوت معنی دار بالا بودن کارایی برنامه های اصلاحی را در این ژنوتیپ ها موجب خواهد. به دلیل تعداد زیاد ژنوتیپ های مورد مطالعه، فقط چندین صفت مهم در جدول ارایه می شوند. همان گونه که ملاحظه می گردد، از نظر عملکرد علوفه، ژنوتیپ ها به چهار گروه دسته بندی شدند که ژنوتیپ های ۱، ۲، ۷، ۱۳، ۱۷، ۱۹، ۲۱-۲۸، ۳۲، ۳۳ و ۳۴ دارای بیشترین عملکرد بودند. از نظر تاریخ ظهور خوش، ژنوتیپها به چهار دسته تقسیم شدند که می توان آنها را خیلی زودرس، زودرس، متوسط رس، دیررس و خیلی دیررس نام نهاد. ژنوتیپ های ۳-۲۵ و ۳۲-۳۶ جزو گروه خیلی زودرس و ژنوتیپ های ۱، ۲، ۶، ۱۷، ۲۱، ۲۷، ۲۸ و ۳۰ در گروه

منابع مورد استفاده

- زینالی، خ.، حسین زاده، ح.، حق نظری، ع.، ۱۳۸۳. اصول ایجاد رقم زراعی (تئوری و تکنیک). انتشارات دانشگاه تهران. تهران. ۶۵۲ صفحه.
- مبین، ص.، ۱۳۵۹. رستنی‌های ایران. فلور گیاهان آوندی، جلد اول، شماره ۱۵۰۰، انتشارات دانشگاه تهران، تهران.
- جعفری، ع.ا. و جاورسینه، ش.، ۱۳۸۴. تجزیه ژنتیکی عملکرد و کیفیت علوفه در والدین و خانواده‌های ناتنی *Festuca arundinacea*. فصلنامه پژوهشی تحقیقات ژنتیک و اصلاح گیاهان مرتعی و جنگلی ایران، ۱(۱): ۹۹-۱۲۴.
- Christie, B.R. and McElory, A.R., 1995. Orchardgrass. 357-372. In: Barnes *et al.* (eds.), Forages, Iowa State University Press, Iowa, USA.
- Ferandsen, 1986. Variability and inheritance of digestibility in perennial ryegrass (*Lolium perenne*), meadow fescue (*Festuca pratensis*), cocksfoot (*Dactylis glomerata*). II. F1 and F2 progeny. *Acta Agriculture Scandinavica* 36:241-263.
- Hacker, J.B., 1982. Selecting and breeding better quality grasses. 305-326. In: Hacker, J.B. (ed.). Nutritional limits to animal production from pasture. Proceeding of an International Symposium, Queensland, aug. 1981, Australia.
- Marten, G.C., 1989. Breeding forage grasses to maximize animal performance. 71-104. In: Slepper *et al.* (eds.). Contributions from breeding forage and turf grasses, CSSA special publication no.15, USA.
- Reed, T.K.F.M., 1996. Improving the adaptation of perennial ryegrass, tall fescue, phalaris and cocksfoot for Australia. *New Zealand Journal of Agricultural Research* 39: 457-464.
- Singh, B.D. 1990. Plant Breeding. Kalyani Publishers. New Delhi, 639 p.
- Treharne, K.J. and Eagles, C.F. 1972. Effect of temperature on photosynthetic activity of climatic races of *Dactylis glomerata*. *Photosynthetica*, 107 P.
- Tysdal, H.M., Kiesselbach, T.A. and Hestover, E.L., 1948. The polycross performance as an index of the combining ability of Alfalfa clones. *Agronomy*. J. 40: 293-306.
- Volence, Y.Y. and Cherney, J.H., 1990. Yield components, morphology and forage quality in four genotypes of *Festuca arundinacea*. *Crop sci.* 30: 1224-1234.

زیرا با افزایش مقدار برگ، عملکرد علوفه نیز افزایش خواهد یافت. در میان صفات کیفی قابلیت هضم رابطه مثبت معنی‌داری با میزان پروتئین خام داشت، زیرا با توجه به این که قندهای محلول در آب و پروتئین خام هر دو قابل هضم هستند بنابراین انتظار می‌رود که هر دو صفت، همبستگی مثبت با درصد قابلیت هضم داشته باشند. این نتایج در چشم دائمی گزارش شده است (Ferandsen, 1986). وجود ضربه همبستگی منفی بین قابلیت هضم و ADF نشانگر این بود که با فیری تر شدن گیاه، قابلیت هضم علوفه و در نتیجه کیفیت آن کاهش می‌یابد. مشابه این نتایج در آزمایش‌های (جعفری و جاورسینه، ۱۳۸۴) و (Marten, 1989) (Hacker, 1982) و (Marten, 1989) (Hacker, 1982) نتایجی بر نتیجه همراه با افزایش منفی فیر خام و قابلیت هضم را گزارش یادشده، رابطه منفی فیر خام و قابلیت هضم را گزارش کردند.

به طور کلی می‌توان چنین نتیجه‌گیری نمود: نظر به اینکه اجرای هر برنامه اصلاحی متکی به وجود تنوع می‌باشد و افزایش عملکرد کمی و کیفی علوفه نیز هدف اصلی برنامه‌های به نژادی و به زراعی می‌باشد، در این تحقیق با توجه به مقایسه‌های میانگین فوق و مشخص نمودن واریته‌ها و ژنوتیپ‌های برتر می‌توان نسبت به تولید واریته‌های مصنوعی اقدام نمود. به عبارت دیگر، با کاشت ژنوتیپ‌های ۱، ۲۱، ۲۲، ۲۴، ۳۸، ۱۰، ۲۱، ۳۶ در کنار یکدیگر می‌توان به تولید بذر مصنوعی حاصل از گرده افسانی آزاد آنها اقدام نمود. علاوه بر این، وجود یا عدم وجود تنوع در صفات مختلف مورد ارزیابی قرار گرفت و همچنین صفاتی که رابطه نزدیکی با قابلیت هضم داشتند شناسایی شدند تا بتوان از آنها در جهت افزایش کیفیت علوفه استفاده نمود.

Comparing 26 orchard grass (*Dactylis glomerata*) genotypes in Zanjan province for synthetic variety production

P. Moradi¹ and A.A. Jafari²

1- Agricultural and Research Center of Zanjan. Iran. E-mail:Parvizmoradi@Yahoo.com

2- Research Institute of Forest and Rangelands, P.O. Box: 13185-116, Tehran, Iran.

Abstract

Cocksfoot (*Dactylis glomerata*) is a perennial grass that is used for pastures and hay production. In order to evaluate quantity and quality variation of 36 genotypes of *Dactylis glomerata*, an experiment was carried out using an unbalanced RCBD in Agricultural and Natural Resources Research Center of Zanjan. Forage yield, plant height, heading date, leaf to stem ratio, digestibility, protein, soluble carbohydrates, crude fibre, ADF, NDF and ash content were evaluated. After calculating correlation coefficients between traits, related traits to yield and quality were determined. Genotypes showed significant differences for all traits, except for crude fiber, ash and ADF. To determine the best varieties and populations, trait means were compared: Genotypes 21, 32, 19-33, and 28 had the highest yield. Based on heading date comparisons, genotypes 3-25 and 32-36 were located in very early maturity class and genotypes 1, 2, 6, 17, 21, 27, 28 and 30 were located in very late maturity. Considering digestibility, genotype 21 was the most digestible with 67.19 percent. For protein content, genotypes were divided into 4 groups among which genotype 21 with 22.68% had the highest protein content. In general, it is possible to plant genotypes 1, 3, 8, 10 together with 17, 21, 24, 32 and 36 in order to achieve synthetic seeds through open pollination.

Key words: Forage quality, Synthetic variety, Forage yield and *Dactylis glomerata*.